



# XIV Congreso Argentino de Virología

Virología para el Futuro: Ciencia, Tecnología y Salud

Presidenta  
**María Victoria Preciado**

Vicepresidenta  
**Alejandra Capozzo**

Secretaría General  
**Cybele García**  
**Diego Álvarez**

Tesorería  
**Laura Delgui**  
**Nora López**

Comisión Técnica  
**Mariano Pérez Filgueira**  
**María Belén Bouzas**  
**Lucía Cavallaro**  
**Andrea Mangano**  
**Germán Pérez**  
**María Pineda**  
**Lilía Mammana**  
**Tomás Poklepovich**

Comisión Científica  
**Pamela Valva**  
**Mariano Belaich**  
**Diego Ojeda**  
**Diego Flichman**  
**Mariana Viegas**  
**Carolina Torres**  
**Juan Stupka**

Simposio de Virología  
Clínica  
**María Daniela**  
**Borgnia María**  
**Alejandra Morales**

Simposio de Virología  
Veterinaria  
**María Carolina Ceriani**  
**Danilo Bucafusco**

Simposio de Virología  
Alimentaria y Ambiental  
**María Belén Pisano**  
**Melina Barrios**

Comunicación/difusión y  
redes  
**Yanina Ghiglione**  
**Erina Petrerá**

## Actividad Precongreso – XIV Congreso Argentino de Virología 2026

 **Modalidad virtual**

### Introducción al análisis de datos transcriptómicos y virología computacional

 **26 de mayo de 2026**

 **10:00 a 14:00 hs Introducción al análisis de datos transcriptómicos**

 **15:00 a 17:00 hs Virología computacional**

 **Cupos limitados: (mínimo 10, máximo 30 participantes)**

Se otorgarán **certificados de asistencia** a quienes participen de la **actividad completa**.

Detalle de la actividad:

 **10:00 a 14:00 hs Introducción al análisis de datos transcriptómicos**

En conjunto con el **Regional Student Group Argentina (RSG Argentina)**, el XIV Congreso Argentino de Virología invita a participar de este taller introductorio orientado a estudiantes avanzados, becarios e investigadores (inscritos en el congreso) interesados en iniciarse en el análisis de datos transcriptómicos mediante herramientas de bioinformática de acceso libre.

Durante la actividad se abordarán conceptos y herramientas básicas para el procesamiento y análisis de datos de RNA-seq, incluyendo:

- Introducción a técnicas de NGS
- Bases de datos y formatos
- Control de calidad y filtrado
- Mapeo y anotación génica
- Expresión diferencial
- Anotación funcional
- Visualización de datos

Días previos al taller, los inscritos recibirán un tutorial introductorio para trabajar con Galaxy y R.

**Docentes responsables:** Andrea Peñas Ballesteros, Romina Zambrana Montaña, Juan Felix Orlowski, Ana Catalina Blazquez, Juan Nahuel Quiroz, Mercedes M. Didier Garnham, Hernán Garbarino y Adriana Gabriela López Guerra.



Sociedad Argentina de Virología, división de la Asociación Argentina de Microbiología

Dean Funes 472 (C1214AAD) Ciudad Autónoma de Buenos Aires

Tel/Fax: +54 11 4932 8858 / 8948 email: congresovirologia.2026@gmail.com



## XIV Congreso Argentino de Virología

Virología para el Futuro: Ciencia, Tecnología y Salud

### 15:00 a 17:00 hs Virología computacional

Virología Computacional En Sudamérica: Breve Historia, Desarrollos y Herramientas

La virología está experimentando una transformación profunda impulsada por herramientas computacionales capaces de construir, simular y analizar partículas virales completas. La "virología computacional" se refiere al uso integrado de bioinformática, modelado molecular, simulaciones multiescala e inteligencia artificial para caracterizar propiedades físicas, estructurales y funcionales de sistemas virales.

Las simulaciones de dinámica molecular a distintas escalas funcionan como un "microscopio computacional" capaz de generar información inaccesible mediante experimentos tradicionales. Sin embargo, estas técnicas implican un alto costo computacional y requieren una integración interdisciplinaria profunda, para la cual aún no existen programas académicos consolidados.

En esta presentación revisaremos el reciente desarrollo de la virología computacional en Sudamérica, los grupos que la impulsan, los desafíos estructurales que enfrentan, y algunos casos concretos en que enfoques computacionales en un contexto de recursos limitados y algunas herramientas libremente disponibles para el modelado estructural.

**Disertante:** Sergio Pantano, Instituto Pasteur, Montevideo, Uruguay

### **Ficha de inscripción:**

<https://forms.gle/tn9pyLj3BVtASLJm9>