



XIV Congreso Argentino de Virología

Virología para el futuro:
Ciencia, Tecnología y Salud

27 al 29 de Mayo 2026

Auditorios UCA - Puerto Madero, CABA, Argentina

R

Normas para la Presentación de **Resúmenes**

viroarg.com/resumenes



Normas para Presentación de Resúmenes

18 de febrero de 2026

Apertura: 9 de diciembre de 2025

Cierre: 6 de marzo de 2026

Reglamento General para la presentación de Trabajos Libres

Los trabajos a presentar deberán ser inéditos y no haber sido aceptados para su publicación, ni publicados en revistas científicas de carácter nacional o extranjera. Se aceptará la presentación de series de casos clínicos con un mínimo de 3 casos. También, podrán enviarse trabajos que hayan sido presentados en la **XLV REUNIÓN CIENTÍFICA ANUAL DE LA SOCIEDAD ARGENTINA DE VIROLOGÍA 2025**.

Los resúmenes deberán ser enviados únicamente a través de la plataforma on line que se habilitará a partir del **9 de diciembre de 2025**. La fecha límite para la recepción de los trabajos en dicha plataforma es el día **6 de marzo de 2026 hasta las 23:59 h.**

Podrá indicar su preferencia sobre la modalidad de presentación (póster o comunicación oral), aunque ésta será definida por la comisión organizadora luego de la revisión de los trabajos.

Los resúmenes deben presentarse en castellano, exceptuando aquellos trabajos cuyas personas autoras sean de nacionalidad extranjera de habla no hispana, en cuyo caso deben presentarse en inglés.

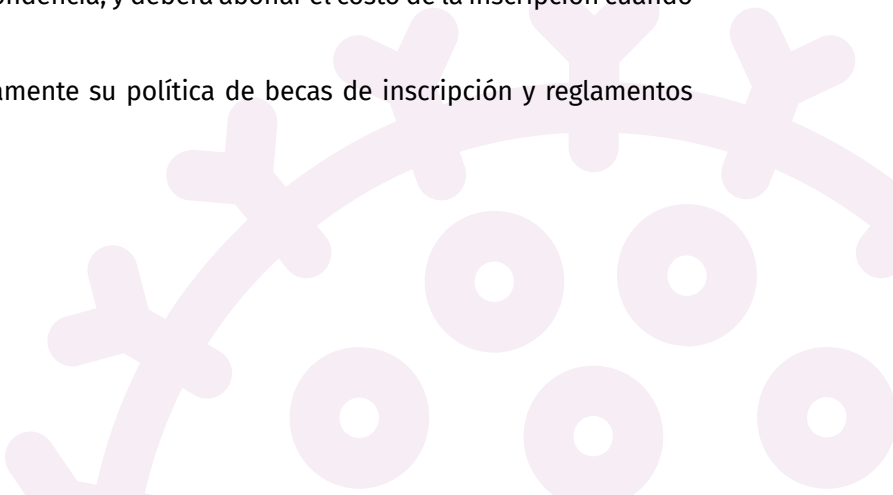
Durante la carga del resumen debe elegirse un “Área temática principal” y un “Área específica” acorde al trabajo que se envía, según se describe en las siguientes secciones.

Todos los resúmenes aceptados serán publicados en un libro de resúmenes digital, con número de registro (ISBN), que se encontrará disponible oportunamente en la página web del congreso.

El número de trabajos a presentar durante el evento será limitado. Por ese motivo, se sugiere no fraccionar los resultados de una misma línea experimental en varias presentaciones. **Cada persona podrá presentar hasta 1 (un) resumen en calidad de primera autoría;** sin embargo, podrá participar en coautorías de otros trabajos.

Cada resumen de trabajo podrá tener hasta 8 (ocho) autorías. La persona en la primera posición tendrá la autoría de correspondencia, y deberá abonar el costo de la inscripción cuando su resumen haya sido aceptado.

El Congreso comunicará oportunamente su política de becas de inscripción y reglamentos vinculados.





Áreas temáticas: generalidades

Los trabajos deben asociarse a un área temática para ello deberá seleccionar un “Área principal” (ver listado bajo el subtítulo “Áreas principales y sus alcances”) y deberá indicar una “Subárea específica” (ver listado bajo el subtítulo “Subáreas específicas y sus alcances”).

Áreas temáticas principales y sus alcances

A continuación, se detallan las 8 (ocho) áreas temáticas principales para seleccionar en la asignación del resumen de trabajo.

1. Virología clínica

Estudios sobre virus que infectan seres humanos, incluyendo todas las investigaciones y desarrollos vinculados con la generación de conocimiento, estrategias de prevención, de diagnóstico y terapias. En el caso de las zoonosis, incluir el estudio aquí si el foco está puesto en los seres humanos.

2. Virología veterinaria

Estudios sobre virus que infectan animales productivos y de compañía, incluyendo todas las investigaciones y desarrollos vinculados con la generación de conocimiento, estrategias de prevención, de diagnóstico y terapias. También pueden incluirse trabajos sobre animales silvestres. En el caso de las zoonosis, incluir el estudio aquí si el foco está puesto en los animales y no en los seres humanos.

3. Virología Ambiental y Alimentaria

Estudios sobre la presencia, distribución y comportamientos de virus en el ambiente (por ejemplo, en agua, aire, suelo, alimentos, entre otros).

4. Virología de invertebrados

Estudios sobre virus que infectan invertebrados terrestres y acuáticos, con valor productivo (abejas, mariscos, entre otros) o aquellos que se consideran plagas (en sistemas agropecuarios, por ser vectores de enfermedades).

5. Virología de procariotas

Estudios sobre virus que infectan bacterias o arqueas.

6. Virología de plantas, hongos y protistas

Estudios sobre virus que infectan plantas, hongos o protistas.

7. Virología y Biotecnología

Desarrollos empleando viriones, sus ácidos nucleicos, proteínas u otras biomoléculas derivadas, con fines tecnológicos en algún campo de aplicación.

8. Virología y Bioinformática

Desarrollos de rutinas informáticas y modelos matemáticos para el análisis de secuencias nucleotídicas o proteicas de origen viral (o de los factores asociados presentes en los hospedadores), o para el estudio de datos epidemiológicos de infecciones virales.

Subáreas específicas y sus alcances

A continuación, se detallan las áreas temáticas específicas (en orden alfabético) para seleccionar en la asignación del resumen de trabajo.

A. Antivirales

Estudios y desarrollos de compuestos con acción antiviral. Se incluyen activos de síntesis química como aquellos de naturaleza biológica.



B. Control biológico

Desarrollo y uso de viriones naturales o modificados mediante ingeniería genética para el control de poblaciones de organismos.

C. Diagnóstico

Desarrollo y usos de sistemas o plataformas diagnósticas para la detección de componentes de los virus (proteínas, ácidos nucleicos) o para las respuestas que éstos generan en sus hospedadores.

D. Enzimas virales

Estudios y desarrollos sobre enzimas virales útiles en biotecnología y sus campos de aplicación.

E. Epidemiología

Estudios sobre la distribución, frecuencia y patrones vinculados con enfermedades virales en sus poblaciones hospedadoras. Se incluyen también estudios ecoepidemiológicos que contemplen los efectos de factores ambientales.

F. Evolución

Estudios sobre patrones de evolución de los ácidos nucleicos virales y las proteínas que éstos expresan, así como estudios sobre la evolución de los factores de los hospedadores vinculados con las infecciones virales. Se incluyen también estudios que aborden aspectos taxonómicos y propuestas de modificación en la clasificación de virus.

G. Genética Reversa

Desarrollos y estudios basados en sistemas de ingeniería genética para el estudio básico y aplicado de ácidos nucleicos virales.

H. Inmunidad

Estudios vinculados con las respuestas de inmunidad innata y adaptativa que poseen y desarrollan los organismos ante las infecciones virales.

I. Interacción Virus-Célula

Estudios vinculados con las interacciones que ocurren entre los viriones y las células hospedadoras, en cualquiera de las etapas del proceso infeccioso, exceptuando cuestiones de inmunidad (ver temática específica "H").

J. Patogenia

Estudios sobre los procesos involucrados en la producción de enfermedades de origen viral en los organismos hospedadores.

K. Replicación

Estudios vinculados con los componentes y los procesos involucrados en la replicación de los ácidos nucleicos virales en células hospedadoras.

L. Vacunas

Desarrollo de nuevas vacunas para la prevención de enfermedades de origen viral, y estudios de seguridad y eficacia vinculados al uso de vacunas disponibles.

M. Vectores virales

Desarrollos de ingeniería genética basados en viriones o sus ácidos nucleicos para el transporte de genes a células y tejidos (terapias génicas), para generar infecciones controladas en células específicas (viroterapias), o para la exposición de antígenos proteicos con fines vacunales o de high-throughput screening (protein-display).



N. Técnicas y metodologías en virología

Desarrollos técnicos y metodológicos experimentales asociados al manejo y estudio de virus en cualquiera de sus niveles.

O. Otros

Cualquier estudio o desarrollo que no pueda vincularse con las subáreas anteriores.

Durante la carga del resumen, podrá seleccionar el área temática principal y la subárea específica desde un menú desplegable.

Además, cada trabajo deberá contener 3 (tres) palabras clave. La primera debe referirse al virus principal en estudio. Para ello, se debe usar el nombre taxonómico de la especie viral (o de la familia u otro nivel taxonómico). Se recomienda visitar la página web del Comité Internacional de Taxonomía de Virus (ICTV, <https://ictv.global/>) y leer la documentación siguiente:

<https://ictv.global/taxonomy>

<https://www.aam.org.ar/descarga-archivos/virus-nomenclature.pdf>

Las otras 2 (dos) palabras clave pueden referirse a cepas o serotipos, a alguna otra subárea específica vinculada y tomada de la lista de subáreas específicas, o cualquier otra palabra o expresión que se asocie directamente al foco del trabajo.

Formato para la presentación y carga de los resúmenes

Se sugiere la generación del resumen del trabajo en un procesador de textos y luego realizar la carga en el formulario.

Título: Debe ser preciso respecto a los contenidos del resumen y no exceder los 250 caracteres con espacios incluidos. Debe estar escrito en MAYÚSCULA y evitar el uso de abreviaturas. Ejemplo: PERFIL DIFERENCIAL DE MIRNAS DERIVADOS DE VESÍCULAS EXTRACELULARES EN INDIVIDUOS CON INFECCIÓN CRÓNICA POR EL VIRUS DE HEPATITIS C.

Autorías y filiación: Se debe ingresar el nombre y apellido completo, en el orden que lo pida el formulario, sin incluir títulos y/o profesiones. También debe indicarse la filiación de cada persona. Para esto, indicar en primer lugar el laboratorio o grupo de trabajo, y en siguiente orden incremental la pertenencia institucional, ciudad de la institución, estado/provincia, país. Por ejemplo: Grupo de virología básica, Cátedra de Virología, Instituto de Virología, Universidad Nacional de Río Cuarto, Río Cuarto, Córdoba, Argentina. En caso de tener más de una filiación deberá cargarlas separadas por punto y coma (;) en un solo campo. Tenga en cuenta que las filiaciones múltiples se visualizarán como muestra el ejemplo:

Gómez María¹; Valle Pablo²; Sánchez Daniela³; Pérez Santiago⁴.

¹ Instituto Multidisciplinario de Investigaciones en Patologías Pediátricas (IMIPP-CONICET-GCBA), Buenos Aires, Argentina.

² Instituto de Investigaciones Biomédicas en Retrovirus y SIDA (INBIRS), Buenos Aires, Argentina.

³ Instituto Multidisciplinario de Investigaciones en Patologías Pediátricas (IMIPP-CONICET-GCBA), Buenos Aires, Argentina; Cátedra de Virología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires, Buenos Aires, Argentina.

⁴ Cátedra de Virología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires, Buenos Aires, Argentina.

Cuerpo del resumen: Debe contener introducción, objetivos, resultados y conclusiones (sin mencionar subtítulos que referencien a esas secciones). No deben incluirse referencias bibliográficas, tablas o figuras. El formulario podrá habilitar que se adjunte alguna figura o tabla, pero esto sólo será para colaborar en el proceso de evaluación (no se incorporarán en el libro de resúmenes, por lo que no deben ser mencionadas en el cuerpo del texto). La extensión (excluyendo título, autorías y afiliaciones) será de hasta 2.500 caracteres con espacios incluidos.



Se sugiere minimizar el uso de abreviaturas y acrónimos. En caso de ser utilizadas, deben ser expandidas la primera vez que se mencionen. Se debe controlar cuidadosamente la ortografía y sintaxis, además de verificar que los símbolos ingresados estén correctamente cargados. Se debe respetar el nombre de los virus y sus cuestiones taxonómicas, revisando la literatura mencionada para ello en la sección “Palabras clave”. Los resúmenes se publicarán exactamente en la forma en que fueron enviados, NO habiendo opción para su modificación antes de que lo reciban las personas revisoras.

Evaluación: En el caso de la modalidad de “trabajos libres”, la evaluación será realizada por personas expertas en las áreas temáticas elegidas. La decisión de aceptación o rechazo será comunicada a la persona autora de correspondencia, como así también la modalidad de la presentación (póster o comunicación oral). A los trabajos aceptados se les solicitará la carga de un **e-póster** en la plataforma, el cual estará disponible para todas las personas asistentes al congreso a través de la plataforma.

Salvaguarda Ética y Ambiental: Al enviar el resumen del trabajo, las personas autoras asumen la responsabilidad de haber cumplido con todas las reglamentaciones, normas de bioética y condiciones de infraestructura e higiene y seguridad requeridas. No se aceptarán trabajos que violenten la identidad y género de las personas, que maltraten animales u otros organismos para las experimentaciones, o que puedan comprometer la seguridad ambiental.

Consultas

Para consultas sobre aspectos científicos o administrativos relacionados con la carga de resúmenes, dirigirse a cientifica@viroarg.com

Instrucciones para enviar su resumen

Ingresa en el [siguiente link](#) y siga las siguientes instrucciones:

- I. El sistema le solicitará crear una cuenta.
- II. Con el correo electrónico y la contraseña registrados podrá ingresar posteriormente al sistema.
- III. En la solapa “Mis Resúmenes”, encontrará a la izquierda el ícono para cargar un “Nuevo Abstract”.
- IV. A continuación, las distintas ventanas le permitirán cargar el resumen. Para ello deberá completar los campos requeridos.
- V. Complete todos los campos y escriba su trabajo en el espacio destinado para tal fin.
- VI. Haga clic en “Finalizar”.
- VII. El sistema le mostrará un detalle del resumen enviado y también enviará una copia a su correo electrónico.

A los trabajos aceptados se les solicitará cargar su e-póster en formato PDF en la plataforma. Para ello, deberá ingresar al sistema. En la solapa “Mis presentaciones”, encontrará en la columna Acciones el ícono para adjuntar el archivo .pdf (tamaño máximo: 9999 MB).